

Université: Mohamed El-bachir El-Ibrahimi de Bordj Bou Arréridj

Faculté: Sciences de la Nature et de la Vie et Sciences de la Terre et d

Département: Sciences Biologiques

Année Universitaire: 2021 / 2022

3 ème année – Domaine: Sciences de la Nature et de la Vie – Filière: Sciences Biologiques – Spécialité:

Microbiologie – 5 ème Semestre

Section N° 1 Groupe N° 1

Date : 09-02-2022

**Résultats de l'examen de la matière :51 / Biologie Moléculaire/génie Génitiques /
Méthodologie7**

Coef. examen: 60.00 % Coef. CC: 40.00% Coef.de la matière: 3 Crédit: 5.00 Code UE: 7 UEM

Matière non requise

N°	Nom et prénoms	Matricule	Etat	Exam	TD	TP	Conf	Sem	Proj	Stage	Autre
36	KHELADI THELIDJA	151533069303	D	5	10						
37	KHOUCANE ABDERRAOUF	191433059413	N	20,00	16,50						
38	LABASSI ISMAHENE	191933048327	N	15,00	14,00						
39	LAROUS FATIMA	191933046574	N	15,50	14,00						
40	LEKBIR WAFI	191933046715	N	10,00	13,00						
41	MADOU NESRINE	191933051614	N	08,00	13,00						
42	MAZA MARIEM	191933045696	N	08,00	13,50						
43	MHAMDI KAOUTAR	191933050389	N	10,00	14,00						
44	MHAMDI RADIA	191933050332	N	10,00	15,00						
45	MOHAMADI HANAYA	191933051623	N	11,50	13,00						
46	MOUSSAI CHAIMA	191933045578	N	10,50	13,00						
47	NOUFEL ASYA	191933050658	N	06,00	13,50						
48	OUCHENE SORAYA	191933045589	N	07,50	13,50						
49	REBAI CHAHINEZ	181836054344	D	07,50	15						
50	ROUABAH CHAHINEZ	191933046495	N	12,00	14,00						
51	SACI ABLA	191933046556	N	11,00	15,00						
52	SALDI SABRINA	191933055879	N	11,50	13,50						
53	SAOUDI AMINA	191933050277	N	14,50	14,00						
54	SEBAI ZINEB	191933050349	N	11,50	13,00						
55	TORCHE KAOUTER	191933051595	N	13,50	13,00						
56	TOUATI HADJER	191933052883	N	11,50	13,00						
57	ZERROUGUI IMANE	191933047336	N	09,50	14,00						
58	ZOUAOU ZAHRA	191933051847	N	16,00	14,50						

Benouadach. Z

Benouadach

Université: Mohamed El-bachir El-Ibrahimi de Bordj Bou Arréridj

Faculté: Sciences de la Nature et de la Vie et Sciences de la Terre et d

Département: Sciences Biologiques

Année Universitaire: 2021 / 2022

3^{ème} année – Domaine: Sciences de la Nature et de la Vie – Filière: Sciences Biologiques – Spécialité:

Microbiologie – 5^{ème} Semestre

Section N° 1 Groupe N° 1

Date : 09-02-2022

Résultats de l'examen de la matière : 51 / Biologie Moléculaire/génie Génitiques / Méthodologie7

Coef. examen: 60.00 % Coef. CC: 40.00 % Coef. de la matière: 3

Crédit: 5.00

Code UE: 7 UEM

Matière non requise

N°	Nom et prénoms	Matricule	Etat	Exam	TD	TP	Conf	Sem	Proj	Stage	Autre
1	AIOUAZ MARWA	191933049214	N	08	13,50						
2	AISSI Wafa	191933051333	N	05,50	14,00						
3	AMRAOUI NADIRA	191933052131	N	16,50	15,00						
4	ATOUI YUCEF	181933056507	N	09,50	15,50						
5	ATTIA KAOUTHER ICHRAK	181833049942	D	10,50	14,50						
6	AYOUB AKRAM	181833050997	N	14,50	11,50						
7	BAATOUCHE CHAHINAZ	181833052235	N	08,00	14,00						
8	BAATOUCHE KANZA	191933051593	N	12,75	12,00						
9	BEDDAH FATMA	191933049177	N	08,50	11,50						
10	BELAYALI ASMA	191933047309	N	08,00	14,50						
11	BELKHIRI AMINA	191933048319	N	13,00	14,50						
12	BELMERABTA KHAOUA	191933050695	N	13,00	13,50						
13	BELMILOUD LOUBNA	191933052423	N	11,50	13,00						
14	BENAMEUR BOUTAYNA	191933049005	N	05,25	15,00						
15	BENATIA AMIRA	191933047977	N	08,00	13,00						
16	BENDIFALLAH KATIA	181833053857	N	11,00	13,00						
17	BENDJEBEL LILYA	191933052426	N	10,50	14,00						
18	BENFREDJ AFAF	191933049166	N	12,50	14,00						
19	BENFREDJ IMAD EDDINE	181833052259	N	12,50	15,00						
20	BENHADJ HAKIMA	191933050686	N	07,00	11,50						
21	BENKHELFAH RADHIA	191933051842	N	15,50	12,50						
22	BENSEFIA Achouak	191933055216	N	11,00	13,50						
23	BENSEGHIR KHADIDJA	191933049872	N	08,50	12,50						
24	BOUARISSA HADDA	191933046407	N	05,50	14,00						
25	BOUGOUFA CHEIMA	191933052862	N	06,50	14,00						
26	CHOUCHOU KHAOUA	191933047388	N	10,00	14,00						
27	DEFFAF AICHA	191933045597	N	08,00	15,00						
28	DJEBARNI MARIA	191933046594	N	10,50	14,50						
29	DJENDEL IMENE	191933050305	N	13,00	15,50						
30	DJOUADI RAZIKA	191933047402	N	06,50	14,00						
31	DRICI MANEL	191933045700	N	12,00	15,00						
32	GASMI Amel	191933050660	N	18,00	14,50						
33	GUEMRAOUI YASMINE	191933050770	N	06,00	13,00						
34	GUENDOUZ ZAHIRA	191933050344	N	11,50	15,00						
35	HOUFAF AYA	191933051528	N	18,00	14,00						

UNIVERSITE DE BORDJ BOU ARRERIDJ
FACULTE DE SNV ET STU
BIOLOGIE MOLECULAIRE ET GENIE GENETIQUE
(3^{ème} année Microbiologie)

Le corrigé type

R1. Addition de cap à l'extrémité 5' :

- Le cap signal l'extrémité 5' des ARNm eucaryotes ce qui aide les cellules à distinguer les ARNm des autres molécules d'ARN.
- Le cap joue également un rôle important dans l'initiation de la traduction dans les cellules eucaryotes, le cap protégerait ainsi l'extrémité 5' des ARNm de l'attaque par des enzymes

La poly-adénylation (addition de poly A à l'extrémité 3') : participe au processus de sortie de l'ARNm du noyau vers le cytoplasme et protège l'ARNm de la dégradation.

R2. La séquence de l'ARNm est 5' AAUUCGC 3'

R3. Le mécanisme de réparation comprend plusieurs étapes :

- Reconnaissance de la distorsion locale
 - séparation des 2 brins par une hélicase
 - coupure par une excinuclease
 - prolongement du brin de l'ADN interrompu au bord de la lacune par une ADN polymérase
- si le mécanisme de réparation avec les enzymes d'excision resynthèse est débordé, l'ADN polymérase sautera la lésion ce qui produira une lacune poste-réplivative.

R4. 1- fausse. Le capping est un processus général de protection de tout ARNm nouvellement synthétisé

2- fausse. La PCR nécessite des amorces d'ADN.

3. VRAIE

4. VRAIE

5. VRAIE

6. FAUSSE. sont des enzymes de coupure

R5.

Phosphatase : utilisé pour déphosphoryler un vecteur que l'on vient d'ouvrir par un enzyme de restriction, afin d'éviter une re-fermeture de ce vecteur (auto-ligation) qui empêcherait alors d'insérer le fragment d'ADN à étudier.

Ligase : pour coller deux fragments d'ADN (le vecteur et l'insert).

Plasmide : utilisé comme un vecteur dans lequel on peut insérer le fragment de l'ADN à étudier et possède un gène de sélection qui permet de sélectionner les cellules transformées.

R6.

- la séquence nucléotidique lue directement sur l'autoradiogramme : 5'- AAGATTCT-3'
- la séquence nucléotidique réelle d'ADN monobrin est : 3'-TTCTAAAGA-5'